

1 生存期間の要約

医学研究では**評価項目**（従属変数、目的変数）が連続変数になることは意外に少なく、二値変数（有効、無効、生死など）あるいは**生存期間の解析**（死亡までの期間、再発までの期間など）であることが多い。例えば高血圧の治療や脂質異常症の治療などでは、短期間の評価項目としては血圧、コレステロール値などの連続変数になるが、やはり長期的には心血管系イベントの発生率、発生までの期間が**より重要な評価項目（hard endpoint）**となる。

生存期間（あるいはあるイベントの発生までの期間）を要約する場合は**生存曲線**を描くのがわかりやすい。生存曲線とは、ある明確に定義された**イベント（出来事、エンドポイント）**の発生を時間に対してプロットした曲線であり、そのイベントは必ずしも死亡である必要はなく、1度だけ生じるものであればよい（複数回生じるイベントの解析には別の解析方法が必要）。単にイベント発生までの期間を連続変数として解析する方法も考えられるが、この場合は解析時点でまだイベントが発生していないサンプル（すなわち解析時点で観察が**打ち切り**となっているサンプル）を扱うことができない。生存期間の解析の特徴は**打ち切り（censor）**サンプルを扱うことができる点である。例えば生死を扱う場合、解析時点で生存中の患者や、ある時期まで生存したことは知られているが、その後について有用な情報がない患者などを打ち切りとして扱う。後者の場合、その患者が観察から脱落した理由が重要であり、その理由が生存に影響するものであれば解析結果に偏りを生じる可能性があるため注意が必要である（例えば末期がん患者のホスピスへの転院による観察終了）。単に生死を評価する場合は**全生存率（overall survival, OS）**、疾患がない状態での生存を評価する場合は**無病生存率（disease-free survival, DFS）**、腫瘍の増悪がない状態での生存を評価する場合は**無増悪生存率（progression-free survival, PFS）**などの用語が用いられる。全生存率は全患者が対象となっていることが多いが、無病生存率は完全寛解状態となった患者だけを対象として寛解到達時点を観察開始時期にしている場合が多く、**対象症例**や**観察開始時期**が異なることが多いので注意しなくてはならない。また、**無イベント生存率（event-free survival, EFS）**では**イベントの定義**が何であるかも確認する必要がある。

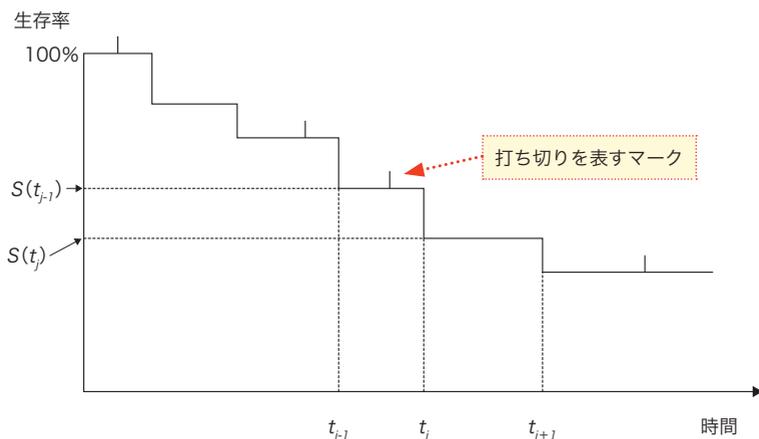
生存曲線の作成には**生命保険数理法**や**Kaplan-Meier法**などが用いられる。前者では月や年などの一定間隔ごとに生存率が計算される。後者では新たにイ

イベントが発生するごとに生存率が再計算される。通常はサンプルサイズが極端に大きくない限り後者が用いられている。**Kaplan-Meier 法**による生存率の計算は、イベントが発生するごとに、その直後にイベントが発生していないサンプル数をその直前にイベントが発生していなかったサンプル数（**at risk のサンプル数**）で割った値を、イベント発生直前の生存率にかけることで計算される。したがって、そのイベントの発生前に打ち切りとなったサンプルは分子と分母から除外されることにより、打ち切りサンプルを考慮しているのである。打ち切りの時点では生存曲線は下降しないが、次のイベント発生の時点で分母が小さくなるため、曲線の下降の深さが大きくなる。**Kaplan-Meier 法**では**打ち切りサンプルも、もし打ち切りにならなければ他のサンプルと同様の確率でイベントを生じていたであろうという仮定に基づいている**。このことが後述する競合リスクの問題に関連してくるのである。



Kaplan-Meier 曲線の描き方

t の時点での生存率を $S(t)$ とすると、 $S(t) = S(t_{j-1}) \times (1 - q_j)$ で計算される。ただし、 q_j （ハザード）は t の時点で死亡した数を t の直前まで生存した数（**at risk のサンプル数**）で割った値である。 t_{j-1} と t_j の間に打ち切りになった者は分母に含まれない。打ち切り症例は **tick mark** と呼ばれる小さな縦棒などで表す。

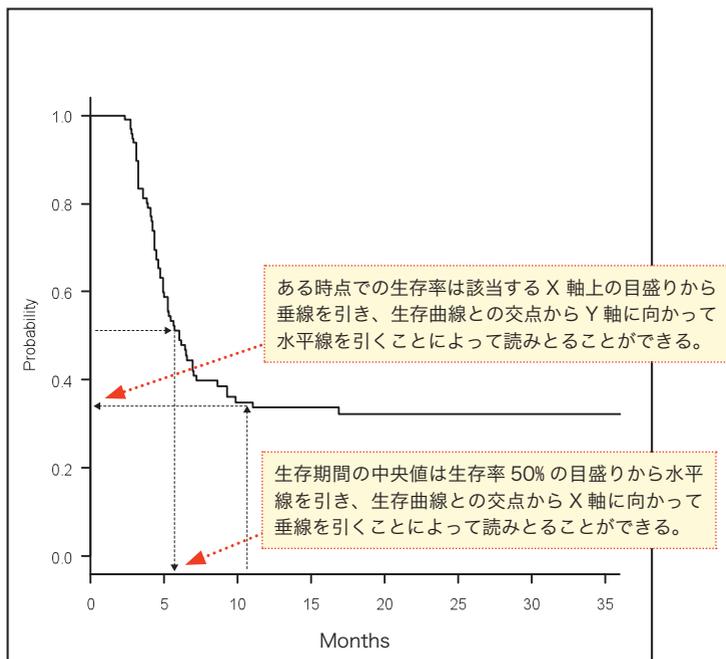


生存率の信頼区間の計算方法には生存率の標準誤差を単純にその時点での生存率に足し引きする方法（R では `conf.type="plain"`）、生存率の対数（ハザード）の標準誤差を用いて計算する方法（`conf.type="log"`）、ハザードの対数の標準誤差を用いて計算する方法（`conf.type="log-log"`）などがある。R の `survival` パッケージでは default は "log" となっているが、Stata などの他の統計解析ソフトと結果をそろえるために EZR では "log-log" を指定している。

生存期間の中央値（median survival time） は単に 50% 生存の目盛りから水平線を引き、生存曲線との交点から X 軸に垂線を引くことによって読みとれる。50% 生存のところで生存曲線が水平の場合にはその範囲の最初と最後の値の平均値で表す。生存期間の中央値の信頼区間も 50% 生存を示す水平線と生存曲線の信頼区間の上下限の曲線との交点から求めることができる。



生存期間の中央値、生存率の読み方



イベント発生までの期間、あるいはイベント発生がなければ最終観察までの期間の変数

観察期間の変数(1つ選択)

イベント(1)、打ち切り(0)の変数(1)

群別の変数を選択(0~複数選択可)

層別化変数(0~1つ選択)

解析方法

オプション

Post-hoc検定 (比較する群が1つの場合)

異なる線の区別

凡例の書式

X軸の単位

グラフの下に at risk のサンプル数を表示する。

マウスの左クリックで凡例の位置を指定する。

X 軸、Y 軸の描画範囲をカンマで区切って限定することができる。同様に X 軸、Y 軸に表示するラベルの文字列も指定できる。

例えば5年生存率を表示させたいのであれば、ここに5年と入力する（観察期間の単位が日であれば1825を入力する）。